

1

## FIG. 2

## Reshaping 3D6 VH

	50 50 50	2/10 96 96 96 86	113 113 113
*	RLEWVAS GLEWVAS GLEWVSA GLEWVSA	Y Y C V R Y D Y Y C V R Y D Y Y Y C V R Y D N Y Y C A K D N Y Y C Y C A K D N Y Y C A K D N Y Y C A K D N Y Y C A K D N Y Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C A K D N Y C	
40	х Б В В В В В В В В В В В В В В В В В В	KSEDTAL RAEDTAL RAEDTAL RAEDTAV	
30	S N Y G M S W S S Y A G M S W S S Y A W S W S S Y A W S W	Y L L Q M S S L S C C C C C C C C C C C C C C C C	
	A A S G F T F A A S G F T F A A S G F T F F A A S G F T F F A A S G F T F F A A S G F T F F A A S G F T F F F F F F F F F F F F F F F F F	ENAKNTL DNAKNSL DNAKNSL DNSKNTL	
20	ASTKISC GSLRISC GSLRISC GSLRISC GSLRISC	GRETISR GRETISR GRETISR GRETISR	110 TVTVSS LVTVSS LVTVSS
10	6 6 L V K P G 6 G L V Q P G 6 G L V Q P G	YYSDNVK YYSDNVK YYBDSVK YYBDSVK	D Y W G Q G T D Y W G Q G T D Y W G Q G T
	EVKLVESGGCLVKPGASLKL EVQLLESGGGLVQPGGSLRL EVQLLESGGGLVQPGGSLRL EVQLLESGGGLVQPGGSLRL	I R S G G G R T Y Y S D N V K G R F T I S G S G G R T Y Y S D N V K G R F T I S G S G S T Y Y A D S V K G R F T I S G S G S T Y Y A D S V K G R F T G O O O O O O	HYSGSSDYWGQGTIVTVS HYSGSSDYWGQGTLVTVS YDFWSGTFDYWGQGTLVTVS
į	3d6vh.aa hum3d6VHv1.aa KABID 045919 VH3-23.prot	3d6vh.aa hum3d6VHv1.aa KABID 045919 VH3-23.prot	3d6vh.aa hum3d6VHv1.aa KABID 045919 VH3-23.prot

'Decoration #1': Box residues that match hum3d6VHv1.aa exactly. Residue Numbering of Kabat

3d6vh.aa - Donor murine sequence hum3d6VHv1.aa - humanized 3d6 VH KABID 045919 - human acceptor framework VH3-23.prot - human germline VH

Dashed Boxes: vernier/CDR foundation residues
Bold: packing (VH+VL) residues
\*: residues selected for backmutation in hum3D6VLv1.aa

Solid fill : Canonical/CDR interacting residues